

Cours et exercices corrigés

Licence • PCEM • CAPES

GÉNÉTIQUE DES POPULATIONS

Jean-Louis Serre

DUNOD

Table des matières

	AVANT-PROPOS						
	INTRODUCTION						
	CHA	PITRE 1	 DÉFINITION ET MESURE DE LA DIVERSITÉ GÉNÉTIQUE CONSTITUTION GÉNÉTIQUE DES POPULATIONS 	5			
	1.1	Introd	uction	5			
	1.2	Les dif	férents types de polymorphismes utiles en génétique des populations	6			
		1.2.1	Le polymorphisme génique	6			
		1.2.2	Les marqueurs polymorphes de l'ADN : Indels, SNP, RFLP, STR	8			
		1.2.3	Le polymorphisme chromosomique	9			
		1.2.4	Les différents types et niveaux de perception du polymorphisme génétique	12			
		1.2.5	Du génotype au phénotype : une relation souvent complexe	15			
	1.3	Mesure de la diversité génétique et composition génétique d'une population					
		1.3.1	La population	18			
		1.3.2	Variables d'état de la diversité et composition génétique d'une population	18			
		1.3.3	Codominance et dominance : les limites de la mesure de la diversité génétique	19			
			a) Phénotypes codominants : groupe sanguin MN	19			
Hit.			 b) Phénotypes dominants et récessifs : groupe sanguin ABO 	21			
nn de		1.3.4	Degré de polymorphisme et degré d'hétérozygotie	22			
se est	1.4	La diversité génétique chez l'homme					
toris		1.4.1	La question des races chez l'homme	24			
on au		1.4.2	De la génétique des populations à l'origine de l'homme	27			
pie n		1.4.3					
tocol			 a) L'étude de l'ADN mitochondrial et la théorie de l'Ève africaine 	30			
Dunod – La photocopie non autorisée est un délit			 La reconstruction phylogénétique de l'homme moderne et sa traduction géographique 	31			
poun			c) L'apport de la paléontologie sur les rapports				
0			entre néandertaliens et cro-magnons	32			

CHA	PITRE 2	LE MODÈLE GÉNÉRAL DE HARDY-WEINBERG	37	CHAPIT			
2.1	Le mo	dèle de Hardy-Weinberg et la naissance de la génétique des populations	37	3.1 I			
2.2	Le tra	Le transfert des gènes d'une génération à l'autre suit les étapes du cycle vital 38					
2.3	Le mo	dèle de Hardy-Weinberg	39	3.3 (
	2.3.1	Établissement du modèle de Hardy-Weinberg par le cycle vital	39	201 3			
		a) Formation des couples : condition de panmixie	39	3			
		 Probabilité et fréquences des évènements : condition d'effectif infini de la population 	40	91			
		c) Gamétogenèse : condition d'absence de mutations	40				
		d) Fécondation : condition d'absence de sélection gamétique	41	3.4			
		 e) Développement et croissance des descendants : condition d'absence de sélection zygotique 	41	3.5			
		 f) Fréquences des génotypes chez les adultes reproducteurs de la génération suivante : condition d'absence de sélection et de migration 	41	1 OI			
	2.3.2	Établissement du modèle de Hardy-Weinberg par le schéma de l'urne gamétique	42				
		a) Panmixie et pangamie : schéma de l'urne gamétique	42				
		b) Conditions additionnelles	42				
	2.3.3	Bilan du modèle de Hardy-Weinberg	43				
		a) La relation de Hardy-Weinberg	43				
		b) L'équilibre de Hardy-Weinberg	44				
		 c) Les conditions de l'équilibre de Hardy-Weinberg 	44				
	2.3.4	Légitimité des conditions du modèle de Hardy-Weinberg	44	3.5			
	2.3.5	L'équilibre de Hardy-Weinberg	46				
		 a) Mise en évidence des situations d'équilibres allélique et génotypique 	46				
		 Établissement de l'équilibre quand les fréquences alléliques diffèrent entre sexes 	46	Harris State S			
		 L'équilibre de Hardy-Weinberg n'est pas une situation quelconque 	47				
		d) Signification évolutive du modèle de Hardy-Weinberg	47	CHAPI			
2.4		ation du modèle de Hardy-Weinberg au calcul des fréquences alléliques es caractères présentant des phénotypes récessifs	48	4.1			
	2.4.1	Estimation des fréquences alléliques d'un gène responsable de l'albinisme	48	4.2			
	2.4.1	Estimation des fréquences alléliques et génotypiques	40	201 9			
		d'un gène responsable d'une maladie mendélienne	50				
		a) Les maladies autosomiques récessives	51	della			
		b) Les maladies autosomiques dominantes	52	5			
		c) Les caractères ou les maladies génétiques liés au sexe	54	inde			
2.5	Tests s	tatistiques de vérification de la conformité au modèle de Hardy-Weinberg	56	D Dunod – La photocopie non autoritée est			
	2.5.1	Exemple d'un gène responsable de phénotypes codominants	56	90 8			
	2.5.2	Exemple d'un gène responsable de phénotypes dominants et récessifs	59	dox			
	2.5.3	Populations structurées et effet Walhund	61	photo			
		Partie A : les tests statistiques	63	2			
		Partie B : modèle de Hardy-Weinberg	67	poun			
				o o			

CHAD	TDE 3	- CE	NICOSEII	ы
LHAP	IIKE 5	• (15	NERALIE	59

3.1	Introduc	tion

	Génér	- 12 4		-
3.2	(-anar	alicat	100	~

3.3 Généralisation du matter

- 3.3.1 Fréquences
- 3.3.2 Équilibre de l'avec des
- 3.3.3 Évolution de la de Hardy-

3.4 Généralisation du museum

- Modèle de Hardy d'une population
 - 3.5.1 Fréquences de la company de la company
 - 3.5.2 Équilibre et au la santa de la santa
 - 3.5.3 Genèse d'un des
 - a) Genèse il un man
 - b) Genese if an ana
 - 3.5.4 Évolution d'un la management
 - a) Évolution Deservi
 - b) Déséquille

3.5 Utilité du déséquillament

- 3.5.1 Analyse de la
- 3.5.2 Épidémini a

CHAPITRE 4 • LES ÉCATTEMENT

4.1 Introduction

- 4.2 Choix du conjoint entre
 - 4.2.1 Trois dell'imment
 - 4.2.2 Mesure de la management
 - a) Forms
 - b) Coefficient
 - c) Réseau a
 - d) Coet
 - e) Le mellione
 - f) Un example 1
 - 00:10
 - 4.2.3 Croiseme
 - a) Aut
 - b) Autolizania
 - c) Crise

atio	ères		Gér	nétique	des populations	VII
	37		СНА	PITRE 3	GÉNÉRALISATION DU MODÈLE DE HARDY-WEINBERG	89
	37		3.1	Introd	uction	89
	38		3.2	Génér	alisation du modèle de Hardy-Weinberg à un gène pluri-allélique	90
	39		3.3		alisation du modèle de Hardy-Weinberg à un gène porté par un hétérochromosome	91
			3.3			
	39			3.3.1	Fréquences alléliques dans chacun des sexes et dans la population	91
	39			3.3.2	Équilibre de Hardy-Weinberg pour un gène hétérosomique avec des fréquences alléliques égales dans chacun des sexes	92
	40			3.3.3	Évolution de la composition génétique d'une population vers l'équilibre	
	40			01010	de Hardy-Weinberg quand les fréquences alléliques sont inégales entre les sexes	93
	41		3.4	Génér	alisation du modèle de Hardy-Weinberg au cas des générations chevauchantes	96
	41		3.5	Modè	le de Hardy-Weinberg appliqué à l'analyse de la composition génétique population pour deux gènes étudiés simultanément	96
						97
	41			3.5.1	Fréquences alléliques et fréquences gamétiques	97
	42			3.5.3	Équilibre et déséquilibre gamétique Genèse d'un déséquilibre gamétique	98
	42			3.3.3	a) Genèse d'un déséquilibre gamétique à la suite de migrations	98
	42				b) Genèse d'un déséquilibre gamétique à la suite d'une mutation	99
	43			3.5.4	Évolution d'un déséquilibre gamétique et définition du déséquilibre de liaison	101
	43			5.5.4	a) Évolution d'un déséquilibre gamétique	101
	44				b) Déséquilibre gamétique et déséquilibre de liaison	102
	44		2.5	LIATEL S		
	44		3.5		du déséquilibre de liaison dans les analyses génétiques	103
	46			3.5.1	Analyse de la diversité génétique des populations et de leurs parentés	103
	46			3.5.2	Épidémiologie génétique	104
	46			3.5.3	Dépistage et diagnostic génétique	104
	47					
	47		CHA	PITRE 4	LES ÉCARTS À LA PANMIXIE : CONSANGUINITÉ, AUTOGAMIE, HOMOGAMIE	115
	48		4.1	Introd	uction	115
			4.2	Choix	du conjoint en fonction de la parenté et consanguinité	116
	48			4.2.1	Trois définitions et une propriété	116
	50			4.2.2	Mesure de la parenté et de la consanguinité	118
	51	ellir.			Formule générale relative à un ancêtre	118
	52	E .			b) Coefficients de parenté et de consanguinité en cas d'ancêtres multiples	120
	54	so oo			c) Réseaux généalogiques complexes	120
		toris			d) Coefficients des parentés les plus courantes	121
	56	on au			e) Le coefficient de parenté et la réalité biologique : définition des IBD	123
	56	pie n			f) Un exemple de généalogie complexe : la généalogie	
	59	otoco		419-0-	de la reine-pharaon Hatshepsout	124
	61	© Dunod – La photocopie non autorisée est un délit		4.2.3	Croisements consanguins systématiques	128
	63	J-P			a) Autofécondation totale	128
	67	Ounc			b) Autofécondation ou autogamie partielle	130
		9			c) Croisements frère x sœur systématiques	133

4.3	Comp	osition génétique des populations consanguines	136	CHA	PITRE 6	MUTATIONS ET
	4.3.1	Choix du conjoint en fonction de la parenté		6.1	Introd	uction
		et composition génétique de la population	136			
		 a) Coefficient moyen de parenté et de consanguinité 		6.2	Mutat	ions réciproques
		dans une population non panmictique	136		6.2.1	Définition et app
		 b) Composition génétique des populations consanguines 	136		6.2.2	Formulation mat
		c) Cas d'un gène pluri-allélique	139		6.2.3	Limite du proces
		 d) Calcul des fréquences alléliques dans une population consanguine 	139		6.2.4	Vitesse du proces
	4.3.2	Consanguinité, effet Walhund et « statistiques F » de Wright	140	6.3	Migra	tions unidirections
		 Écart à la panmixie associé à l'effet Walhund 	140	93	6.3.1	Définition et app
		b) Statistiques « F » de Wright	142		6.3.2	Formule de récur
	4.3.3	Consanguinité, conseil génétique et santé publique	143		6.3.3	Limite du proces
		 a) Consanguinité, risque familial et conseil génétique 	144			
		b) Consanguinité, risque collectif et santé publique	145		6.3.4	Vitesse du proce
	4.3.4	Consanguinité et cartographie des gènes : « homozygosity mapping »	146		6.3.5	L'exemple de la
4.4	L'hom	ogamie	148			
	4.4.1	L'homogamie génotypique totale	148	CHA	PITRE 7	LA SÉLECTION
	4.4.2	L'homogamie génotypique partielle	149	7.1	Intro	duction
	4.4.3	L'homogamie phénotypique	150	7.1	introd	uction
	4.4.4	Homogamie et maintien du polymorphisme	150	7.2	Modè	e général de selec
		Tronogamie et manuten du porymorphisme	150		7.2.1	Définitions et a
		and the second state of th			7.2.2	Développement
CHA	PITRE 5	LA DÉRIVE GÉNÉTIQUE	171			a) Effet de la m
5.1	Introd	uction	171			composition
F 2	Eluctu	ation des fréquences alléliques	171			b) Variation de
5.2		ation des fréquences alléliques	171			c) Limite du pr
	5.2.1	Approche intuitive de la dérive génétique	171		7.2.3	Valeurs limites a
	5.2.2	Formulation mathématique de la dérive génétique	172			a) Relations
	5.2.3	Conséquences génétiques de la dérive sur la diversité génétique	174			b) Allèles favor
	5.2.4	L'effet fondateur	174			c) Avantage on
5.3	Augm	entation récurrente de la consanguinité	175			ou ce que le
	5.3.1	Approche intuitive	175			d) La drépassa
	5.3.2	Formulation mathématique de l'augmentation récurrente				de l'hétéron
		de la consanguinité résultant de la limitation de l'effectif	175	on dellic.		e) L'avantage
	5.3.3	Limite du processus d'augmentation récurrente de la consanguinité	178			f) Le désavant
	5.3.4	Vitesse du processus d'augmentation récurrente de la consanguinité	178	90		et théorique
	5.3.5	Signification de l'effectif efficace	180	io io	7.2.4	Vitesse du proces
	5.3.6	Effectif efficace et variance de la fréquence allélique	181	8 8	7.2.5	Le fardeau génér
	5.3.7	Variation de l'effectif efficace dans le temps	182	夏 7.3	Autre	modèles de selec
5.4		e la dérive dans l'histoire génétique des populations	182	otoco	7.3.1	Introduction
3.4				2	7.3.2	Modèles à coeffi
	5.4.1	Dérive et différenciation ethnique chez l'homme	183	2	7.3.3	Modèles à niche
	5.4.2	Dérive et spéciation	183	7.4	Lann	sage adaptatif
	5.4.3	Dérive et migrations	184	0 7.4	re ha	sage auaptati

natières		Géi	nétique des populations	IX
136		CHA	APITRE 6 • MUTATIONS ET MIGRATIONS	191
111	10	6.1	Introduction	191
136		6.2	Mutations réciproques	191
136		0.2	6.2.1 Définition et approche intuitive	
136			6.2.2 Formulation mathématique	191 192
139			6.2.3 Limite du processus et conséquences génétiques	192
139			6.2.4 Vitesse du processus	193
140				
140		6.3		195
142			6.3.1 Définition et approche intuitive	195
143			6.3.2 Formule de récurrence	195
144			6.3.3 Limite du processus et conséquences génétiques	197
145			6.3.4 Vitesse du processus	197
146			6.3.5 L'exemple de la population noire des États-Unis	198
148				
148		CHA	APITRE 7 • LA SÉLECTION	207
149		7.1	Introduction	
150				207
150		7.2	Modèle général de sélection à coefficients constants	208
			7.2.1 Définitions et approche intuitive	208
171			7.2.2 Développement mathématique	210
171			 a) Effet de la sélection sur les fréquences alléliques : composition de l'urne gamétique 	210
			b) Variation des fréquences alléliques d'une génération à l'autre	212
171			c) Limite du processus sélectif	212
171			7.2.3 Valeurs limites des fréquences alléliques sous l'effet de la sélection	213
172			Relations d'ordre entre valeurs sélectives	213
174			b) Allèles favorables et défavorables : relations d'ordre 1 et 2	213
174			 c) Avantage ou désavantage de l'hétérozygote, 	-10
175			ou ce que le darwinisme n'avait pas prévu	216
175			 d) La drépanocytose, exemple le plus évident d'avantage de l'hétérozygote 	218
175	ai ai		e) L'avantage de l'hétérozygote : aspects génétiques et philosophiques	220
178	9		f) Le désavantage de l'hétérozygote : conséquences génétiques	
178	e est		et théoriques	221
180	onisé		7.2.4 Vitesse du processus sélectif pour les maladies létales récessives	224
181	98		7.2.5 Le fardeau génétique	227
182	D Dunod – La photocopie non autorisée est un délit.	7.3	Autres modèles de sélection	229
182	otoco		7.3.1 Introduction	229
	a pho		7.3.2 Modèles à coefficients variables fonction des fréquences alléliques	229
183	1-P		7.3.3 Modèles à niches écologiques multiples	230
183	Ouno	7.4		
184	0	7.4	Le paysage adaptatif	230

CHA	PITRE 8	EFFET COMBINÉ DE PLUSIEURS FACTEURS DÉTERMINISTES ET NON DÉTERMINISTES	239
8.1	Introd	uction	239
8.2	Équilit	ores sélection-mutation	240
	8.2.1	Définition et approche intuitive	240
	8.2.2	Changement de formalisme pour les valeurs sélectives	240
	8.2.3	Équilibre sélection-mutation pour un allèle défavorable à effet sélectif « dominant »	241
		Effet de la sélection	242
		b) Effet des mutations	242
		 Équilibre sélection-mutations de novo 	242
		d) Application à la mesure des taux de mutation	243
		d) L'effet dysgénique de la médecine	243
	8.2.4	Équilibre sélection-mutation pour un allèle défavorable à effet sélectif « récessif »	245
		Effet de la sélection	245
		b) Effet des mutations	246
		c) Équilibre sélections-mutations	246
		 d) Application aux maladies génétiques récessives chez l'homme 	246
		e) Les paradoxes de la mucoviscidose	247
	8.2.5	Équilibre sélection-mutation pour un gène « lié au sexe » : la règle de Haldane	248
8.3	Action	combinée de facteurs déterministes et stochastiques	250
	8.3.1	Approche intuitive	250
	8.3.2	Effet combiné dérive-sélection	251
		a) Dérive et fixation d'un allèle favorable	251
		b) Petite population et fixation d'une mutation défavorable	251
	8.3.3	Effet combiné dérive-mutation : le polymorphisme transitoire	252
8.4	Conclu	sion : du déterminisme sur une courte durée au hasard sur un longue durée	254
INDE	Х		265

Une discipline science champs de la science de la lations.

D'un point de vue hand de la génétique des pour la vision darwinienne nouvelle à cette époque

D'un point de vue se perpétue, à la suite de biologie à la modé se champs théoriques et diversité génétique :

- le renouvellement de la le cœur mathématique
- - la génétique quantiture variabilité est continue
 - la génétique humaine nique) de l'expériment ques des données, inclus

Les domaines théoriques concours, présentent en tance, déjà évoqués pour la

od - La photocopie non autorisée est un délit.

SCIENCES SUP

Jean-Louis Serre

GÉNÉTIQUE DES POPULATIONS

La génétique des populations est à l'intersection de plusieurs champs scientifiques. Elle s'enseigne dans les cursus de biologie qui s'intéressent à l'évolution, la biodiversité, l'amélioration des plantes cultivées et la génétique humaine ou médicale.

Dans ce manuel, les principaux concepts comme l'équilibre de Hardy-Weinberg, la consanguinité, le déséquilibre gamétique, la dérive génétique, la sélection ou l'effet des mutations sont d'abord introduits de manière totalement intuitive avant d'être présentés dans leur formulation théorique. Le principe et la réalisation des tests statistiques sont rappelés. L'ensemble est illustré par une soixantaine d'exemples et d'exercices avec corrigés détaillés.

Cet ouvrage s'adresse aux étudiants de Licence et de Médecine (PCEM 1 ou 2) et sera aussi utile aux candidats au CAPES ou à l'agrégation des sciences de la Vie et de la Terre.

JEAN-LOUIS SERRE

est professeur à l'université de Versailles-Saint-Quentin, membre du bureau de la Société Française de Génétique Humaine. Ses recherches portent sur l'analyse de la relation génotype-phénotype dans certaines maladies génétiques et, en génétique des populations humaines, sur la mesure et l'effet de la consanguinité, et son application à la cartographie des gènes.

MATHÉMATIQUES

PHYSIQUE

HIMIE

SCIENCES DE L'INGÉNIEUR

NFORMATIQUE

SCIENCES DE LA VIE

SCIENCES DE LA TERRE







ISBN 2 10 049620 4